



## Campagne d'emplois 2020

### Enseignants-Chercheurs

⇒ rang n° : 1

Création

Maintien

Si maintien, n° emploi national : **65MCF0886**

Corps :	<input checked="" type="checkbox"/> Maître de conférences - <input type="checkbox"/> Professeur des universités
Chaire :	<input type="checkbox"/> oui - <input checked="" type="checkbox"/> non
Section CNU n° 1 :	65
Section CNU n° 2 :	
Profil synthétique:	Génétique fonctionnelle des pathologies humaines
Composante, service ou département	UFR BIOSCIENCES
Unité de recherche:	INMG UMR5310

#### ENSEIGNEMENT :

Le/la candidat(e) sera rattaché(e) à l'équipe pédagogique de Génétique et Biologie du Développement. Il/elle contribuera en priorité à l'enseignement de la Génétique de la Licence au Master. Dans ce cadre, il/elle contribuera à renforcer les axes d'enseignement dans le domaine de la génétique humaine et des nouveaux outils de l'analyse génétique fonctionnelle pour la compréhension de la physiopathologie des maladies humaines, des plus rares aux plus communes.

Il/elle contribuera également à développer des enseignements de Génétique à l'interface des secteurs Sciences et Santé de l'Université Claude Bernard Lyon-1 et dans le cadre de la mise en place de nouveaux cursus universitaires. Il/elle devra s'investir dans les différentes missions dont l'équipe pédagogique a la charge et participer au dynamisme et au rayonnement de nos formations.

**Contact enseignement** : DURAND Bénédicte, Professeur, [durand-b@univ-lyon1.fr](mailto:durand-b@univ-lyon1.fr), 0478772813

#### RECHERCHE :

La mission principale de recherche de la personne porte sur l'identification des causes génétiques de maladies rares et leur modélisation dans un but de développer des approches thérapeutiques innovantes. Il ou elle devra développer un programme de recherche qui viendra s'inscrire en synergie avec les thématiques du laboratoire à savoir notamment les ataxies et/ou la fonction mitochondriale. Plusieurs dimensions sont couramment abordées : identification de nouveaux gènes par séquençage de l'exome ; validation fonctionnelle des variants (in silico, en biologie cellulaire, modèle in vivo y compris souris ou zebrafish); études physiopathologiques ; approches thérapeutiques (pharmacologique et thérapie génique). Cette recherche allie étroitement les explorations génomiques et les validations fonctionnelles en tenant compte des innovations technologiques.

**Contact recherche** : Puccio Hélène, DR1 Inserm, [helene.puccio@univ-lyon1.fr](mailto:helene.puccio@univ-lyon1.fr)